

RESEARCH FELLOW 公募
国立循環器病研究センター研究所 各部紹介

部・室名	病態ゲノム医学部
責任者(部長名・室長名)	部長 高橋篤
研究内容 <ul style="list-style-type: none"> ● 循環器疾患の次世代型精密医療の実現 個々人のゲノム情報をもとに疾患の発症予測や治療の至適化を行う、次世代型精密医療の実現を目的とする研究を行う。ゲノムワイド関連解析(GWAS)などのゲノム解析により、疾患発症や治療の効果に関連する遺伝子を明らかにする。 ● 遺伝性循環器疾患の原因遺伝子探索 次世代シーケンサー(NGS)により、ヒトの全ゲノム配列が取得可能になった。循環器希少・難病疾患に対し、NGSによる全エクソーム解析・全ゲノム解析を実施し、発症の原因となるバリエーションを明らかにする。 ● 網羅的オミックスデータの統合解析 多因子疾患(生活習慣病)の発症予測などは、環境要因なども関与しており、ゲノム以外の情報も考慮する必要がある。ゲノムやメタボロームなどの網羅的オミックスデータを組み合わせた統合解析により、疾患発症患者の予後や治療効果に関連するバイオマーカーを明らかにする。 	
直近 3 年間の業績 <ol style="list-style-type: none"> 1. Suzuki, T., Koike, Y., Ashikawa, K., Otomo, N., Takahashi, A., et al. Genome-wide association study of epilepsy in a Japanese population identified an associated region at chromosome 12q24. <i>Epilepsia</i> 62, 1391-1400 (2021). 2. Ishigaki, K., Akiyama, M., Kanai, M., Takahashi, A., et al. Large-scale genome-wide association study in a Japanese population identifies novel susceptibility loci across different diseases. <i>Nat Genet</i> 52, 669-679 (2020). 3. Hori, M., Takahashi, A., Son, C., Ogura, M. & Harada-Shiba, M. The first Japanese cases of familial hypercholesterolemia due to a known pathogenic APOB gene variant, c.10580 G>A: p.(Arg3527Gln). <i>J Clin Lipidol</i> 14, 482-486 (2020). 4. Hori, M., Takahashi, A., Son, C., Ogura, M. & Harada-Shiba, M. The benign c.344G > A: p.(Arg115His) variant in the LDLR gene interpreted from a pedigree-based genetic analysis of familial hypercholesterolemia. <i>Lipids Health Dis</i> 19, 62 (2020). 	
その他 情報 紹介ビデオ: https://youtu.be/x2R0fmR6Tbw	